

Dr.Öğr.Üyesi Kemal ŞANLI

Kişisel Bilgiler

E-posta: kemal.sanli@istanbul.edu.tr

Web: <https://avesis.istanbul.edu.tr/70009>

Uluslararası Araştırmacı ID'leri

ORCID: 0000-0001-7617-6537

Publons / Web Of Science ResearcherID: ABC-1517-2020

Yoksis Araştırmacı ID: 344867

Eğitim Bilgileri

Doktora, Göteborgs Universitet (Göteborg University), Biyolojik ve Çevresel Bilimler Fakültesi, İsveç 2011 - 2016

Yüksek Lisans, Chalmers Tekniska Högskola (Chalmers University of Technology), Matematiksel Bilimler Fakültesi,

Biyoinformatik ve Sistem Biyolojisi, İsveç 2009 - 2011

Lisans, İstanbul Teknik Üniversitesi, Fen-Edebiyat, Moleküler Biyoloji Ve Genetik, Türkiye 2004 - 2009

Araştırma Alanları

Biyoinformatik, Biyoçeşitlilik, Biyoenformasyon, Biyolojik Modelleme, Biyolojik Veritabanları, Mikrobiyal Çeşitlilik, Genomiks, Kanser Moleküler Biyolojisi, Mikrobiyal Genetik

Akademik Unvanlar / Görevler

Dr.Öğr.Üyesi, İstanbul Üniversitesi, Fen Fakültesi, Moleküler Biyoloji ve Genetik Bölümü, 2021 - Devam Ediyor

Araştırmacı, Kungl. Tekniska Högskolan (Royal Institute of Technology), 2016 - 2017

SCI, SSCI ve AHCI İndekslerine Giren Dergilerde Yayınlanan Makaleler

- I. Metabarcoding of colonic cleansing fluid reveals unique bacterial members of mucosal microbiota associated with Inflammatory Bowel Disease**
Banzragch M., ŞANLI K., Stensvold C. R., KURT Ö., ARI Ş.
SCANDINAVIAN JOURNAL OF GASTROENTEROLOGY, 2023 (SCI-Expanded)
- II. Triclosan changes community composition and selects for specific bacterial taxa in marine periphyton biofilms in low nanomolar concentrations**
Martin E. K., Kemal S., Henrik N. R., Alexander E., Natalia C., Henrik J. C., Thomas B., Hans B., Erik K.
ECOTOXICOLOGY, cilt.29, sa.7, ss.1083-1094, 2020 (SCI-Expanded)
- III. Transcriptome profiling of the interconnection of pathways involved in malignant transformation and response to hypoxia.**
Danielsson F., FASTERIUS E., Sullivan D., HASES L., Sanli K., Zhang C., Mardinoglu A., Al-Khalili C., Huss M., Uhlén M., et al.
Oncotarget, cilt.9, ss.19730-19744, 2018 (SCI-Expanded)
- IV. A pathology atlas of the human cancer transcriptome**
Uhlen M., Zhang C., Lee S., Sjostedt E., Fagerberg L., Bidkhorji G., Benfeitas R., Arif M., Liu Z., Edfors F., et al.

SCIENCE, cilt.357, sa.6352, ss.660-671, 2017 (SCI-Expanded)

V. Strategies to improve usability and preserve accuracy in biological sequence databases

Bengtsson-Palme J., Boulund F., Edstrom R., Feizi A., Johnning A., Jonsson V. A., Karlsson F. H., Pal C., Pereira M. B., Rehammar A., et al.

PROTEOMICS, cilt.16, sa.18, ss.2454-2460, 2016 (SCI-Expanded)

VI. Metagenomic sequencing of marine periphyton: taxonomic and functional insights into biofilm communities

Sanli K., Bengtsson-Palme J., Nilsson R. H., Kristiansson E., Rosenblad M. A., Blanck H., Eriksson K. M.

FRONTIERS IN MICROBIOLOGY, cilt.6, 2015 (SCI-Expanded)

VII. Long-term effects of the antibacterial agent triclosan on marine periphyton communities

Eriksson K. M., Johansson C. H., Fihlman V., Grehn A., Sanli K., Andersson M. X., Blanck H., Arrhenius A., Sircar T., Backhaus T.

ENVIRONMENTAL TOXICOLOGY AND CHEMISTRY, cilt.34, sa.9, ss.2067-2077, 2015 (SCI-Expanded)

VIII. Improved software detection and extraction of ITS1 and ITS2 from ribosomal ITS sequences of fungi and other eukaryotes for analysis of environmental sequencing data

Bengtsson-Palme J., Ryberg M., Hartmann M., Branco S., Wang Z., Godhe A., De Wit P., Sanchez-Garcia M., Ebersberger I., de Sousa F., et al.

METHODS IN ECOLOGY AND EVOLUTION, cilt.4, sa.10, ss.914-919, 2013 (SCI-Expanded)

IX. FANTOM: Functional and taxonomic analysis of metagenomes

Sanli K., Karlsson F. H., Nookaew I., Nielsen J.

BMC BIOINFORMATICS, cilt.14, 2013 (SCI-Expanded)

Hakemli Kongre / Sempozyum Bildiri Kitaplarında Yer Alan Yayınlar

I. Tiroid Kanseri Hücrelerinde N-bağlı Glikoproteinlerin Glikomik Analizi Yeni Potansiyel Terapötik ve Tanısal Hedefleri İşaret Eder

Bektaş S., Pekmez M., Şanlı K., Sancar S., Arda Pirinççi B. P., Arda E. Ş. N., Hanışch F. G., Kaptan E.

11. ULUSAL MOLEKÜLER BİYOLJİ VE BİYOTEKNOLOJİ KONGRESİ, İstanbul, Türkiye, 7 - 09 Ekim 2022, ss.67

II. Pathway-Centric Analysis of the TCGA - NSCLC Transcriptome Data Pertaining to Deceased Patients

Sanli K., Nalbantoglu S., Evman S., Baysungur V., Karadag A.

1st International Conference on Cancer Care Informatics (CCI), Amman, Ürdün, 19 - 21 Kasım 2018, ss.60-71

Metrikler

Yayın: 11

Atıf (WoS): 1619

Atıf (Scopus): 1645

H-İndeks (WoS): 6

H-İndeks (Scopus): 6